ABO血型基因突变导致正反定型不符分析

柳森龙, 任凯, 刘迪, 李凌波

引用本文:

柳森龙,任凯,刘迪,等. ABO血型基因突变导致正反定型不符分析[J]. 蚌埠医学院学报, 2020, 45(12): 1685-1688.

在线阅读 View online: https://doi.org/10.13898/j.cnki.issn.1000-2200.2020.12.024

您可能感兴趣的其他文章

Articles you may be interested in

O型孕妇血清中IgG抗A(B)效价与新生儿溶血病的关系

蚌埠医学院学报. 2016, 41(1): 104-105 https://doi.org/10.13898/j.cnki.issn.1000-2200.2016.01.033

高胆红素血症新生儿326例血清学检测结果分析

蚌埠医学院学报. 2015(6): 805-806 https://doi.org/10.13898/j.cnki.issn.1000-2200.2015.06.036

COL4A5基因c.4518_c.4519insC新突变所致X连锁显性遗传Alport综合征的分子遗传学及临床分析

Molecular genetics and clinical analysis of X-linked dominant Alport syndrome caused by a new mutation of COL4A5 gene c. 4518_c. 4519 insC

蚌埠医学院学报. 2019, 44(9): 1217-1220 https://doi.org/10.13898/j.cnki.issn.1000-2200.2019.09.020

新生儿溶血病阳性检出率的差异分析

Variance analysis of the positive detection rate of hemolytic disease

蚌埠医学院学报. 2017, 42(4): 505-507 https://doi.org/10.13898/j.cnki.issn.1000-2200.2017.04.026

肺腺癌表皮生长因子受体基因突变与组织病理学的相关性研究

Study on the correlation between the epidermal growth factor receptor gene mutation and histopathological characteristics in lung adenocarcinoma

蚌埠医学院学报. 2020, 45(12): 1642-1645 https://doi.org/10.13898/j.cnki.issn.1000-2200.2020.12.013

[文章编号] 1000-2200(2020)12-1285-04

检验医学。

ABO 血型基因突变导致正反定型不符分析

柳森龙1,任 凯2,刘 迪3,李凌波3

[摘要] 图 6: 对临床检测中 1 例 ABO 血型正反定型不符病人进行血清学及分子生物学研究,明确病人 ABO 血型,阐述其正反定型不符原因及分子生物学机制。 方法:采用血清学及分子生物学技术,鉴定正反定型不符病人血型及血清中意外抗体,并对病人样本进行 ABO 血型基因直接测序,PCR 扩增编码 ABO 基因第 6、第 7 外显子编码区序列,以公认的 A101 (ABO * A1. 01)等位基因序列做为参考序列比对,分析待测样本 DNA 序列,明确样本 ABO 表型及基因型。 5 果:病人样本血清学结果正定型为 A型,样本红细胞与单克隆抗-A反应弱阳性,但其红细胞与抗-A1 抗体反应阴性;样本反定型为 O型,血清与 A1 试剂红细胞反应弱阳性、与 A2 试剂细胞反应阴性,其血清不规则抗体筛查阴性,证实样本血清存在抗-A1 意外抗体;样本测序结果显示病人在 ABO 基因第 6 外显子出现 c. 297 A > G (ACA > ACG)、第 7 外显子出现 c. 771 C > T (CCC > CCT)及 c. 646 T > A (AGT > AGA)的等位基因突变。 5 允: 血清学试验检测病人 ABO 血型为 A 亚型,血清中产生抗-A1 意外抗体,导致病人正反定型不符。病人 ABO 基因 6 号外显子的 c. 297 A > G 及 7 号外显子的 c. 771 C > T 突变,氨基酸编码并无改变,属于无义突变。而通过比对血型抗原基因突变资料库注册的 ABO 表型,分析病人为 Ax/Aweak 表型,该表型基因 ABO * AW. 30. 01 第 7 外显子的 c. 646 T > A 突变(导致氨基酸 Phe 216 IIIe 改变)正是其表型形成的分子基础。

[关键词] ABO 血型:表型:血清学:分子生物学

[中图法分类号] R 457.11

[文献标志码] A

DOI:10.13898/j. cnki. issn. 1000-2200. 2020. 12.024

ABO 血型系统在临床输血中具有重要的意义, 在临床常规检测中常会遇到一些 ABO 亚型,它们表 现为正反定型不一致或抗原、抗体反应强度减弱等。 其中 A1 和 A2 是血型血清学方法确定的最重要的 A 型红细胞亚型,其余不太常见的 A 亚型包括 A3、 Ax、Am、Ael 等,其 A 抗原表达逐渐减弱[1]。 A 亚型 的典型血清学特征是在正定型中红细胞与抗-A 和 抗-AB 血清不发生凝集或仅发生弱凝集,在反定型 中 A 亚型的血清与正常人的 A 型红细胞不发生凝 集或发生弱凝集,而 ABO 亚型的分子机制主要是 ABO 血型基因上碱基的改变。ABO 基因有 7 个外 显子,绝大多数 A 和 B 亚型是由第 7 外显子中的核 酸突变导致糖基转移酶的催化结构域改变所致。目 前国际输血协会正式命名的 ABO 等位基因已超过 200个,其中等位基因 AW 有 47个(表型分别为 Ax/Aweak Afinn/Aweak Abantu/ Aweak) [2-3]。我们在日常血型检测中发现了1例 ABO 血型正反定型不符病人样本,采用成熟的血清 学及分子生物学方法,鉴定为 Ax/Aweak 亚型。现

作报道。

1 对象与方法

- 1.1 研究对象 病人男,51岁,肝病引起消化道出血入院。根据病情需输血治疗,输血前血型鉴定发现病人 ABO 正反定型不相符:正定型为 A型,样本红细胞与单克隆抗-A反应弱阳性,样本反定型为 O型。遂抽取病人血样本 5 mL(EDTA 抗凝)进一步鉴定分析。
- 1.2 试剂与仪器
- 1.2.1 血清学实验 ABODE 血型检测卡,ABO 血型反定型试剂红细胞,不规则抗体检测试剂红细胞(长春博迅生物技术有限责任公司);单克隆抗-A,抗-A1,A2 试剂细胞(上海血液生物医药有限责任公司);TD-A 型血型血清学用离心机、FYQ 型免疫微柱孵育器(长春博研科学仪器有限责任公司);LDZ4-1.2 低速自动平衡离心机(北京雷勃尔离心机有限公司)。
- 1.2. 2 分子生物学实验 TransStart ® FastPfu DNA polymerase 快速 PCR 扩增高保真 DNA 聚合酶 (北京全式金生物技术有限公司)、AxyPrep 基因组 DNA 小量试剂盒(杭州爱思进生物技术有限公司)、QIAquick 胶体 DNA 回收试剂盒、高速离心机 (Centrifuge 5415D型,德国 Eppendorf); Mastercycler nexus GX2 梯度 PCR 仪(德国 Eppendorf)、凝胶成像系统(Bio-Rad Gel Doc XR +型,美国伯乐);电泳仪

[[] 收稿日期] 2020 - 02 - 20 [修回日期] 2020 - 06 - 01

[[]基金项目] 吉 林 省 科 技 厅 重 点 科 技 成 果 转 化 项 目 (20150307011YY)

[[]作者单位] 1. 安徽省阜阳市第二人民医院 输血科,236000;2. 吉林 大学第二医院 输血科,吉林 长春 130041;3. 长春博迅 生物技术有限责任公司 研发部,吉林 长春 130102

[「]作者简介]柳森龙(1985-),男,主管检验技师.

[「]通信作者] 李凌波,研究员. E-mail:lilingbo@bioxun.com

(DYY-8C型,北京市六一仪器厂);引物合成与基因测序均由吉林省库美生物科技有限公司完成。

1.3 实验方法

- 1.3.1 血清学实验 病人 ABO 血型鉴定按血型检测卡试剂说明书操作和判读。样本红细胞与抗-A1 抗体反应、血清盐水不规则抗体筛查均采用试管法,均按《全国临床检验操作规程》第四版进行操作与判读。
- 1.3.2 分子生物学实验 DNA 提取按照试剂盒说明书提取血液标本基因组。引物设计: ABO 基因编码区共有7个外显子,其中最大的2个外显子6和7构成全部编码区的77%,故在第6、7外显子设计2对通用引物对目的基因进行扩增,参照美国国立生物技术信息中心 GenBank 中 ABO 基因第6、7外显子编码区碱基序列在 IDT 网站设计引物(见表1),PCR 反应条件为95 $^{\circ}$ 3 min,95 $^{\circ}$ 30 s,55 $^{\circ}$ 30 s,72 $^{\circ}$ 30 s,4 35 个循环,72 $^{\circ}$ 2 延伸 10 min,延伸结束后,将上述 PCR 扩增产物经 1% 琼脂糖凝胶电泳分离后分析,将目的片段进行胶回收实验,并以胶回收产物为模板继续进行 PCR 扩增,将目的片段送测序,结果以 A101 (ABO * A1.01)等位基因序列做为参考序列,DNAStar 软件进行序列比对。

表 1 第 6、7 外显子引物设计

引物名称	引物序列	
ABO-EXON-7-740-F	CCG TGT CCA CTA CTA TGT CTT CAC C	
ABO-EXON-7-740-R	ACA ACA GGA CGG ACA AAG GAA ACA G	
ABO-EXON-6-720-F	CAT TTG CCT CTG GTT GGT TTC	
ABO-EXON-6-720-R	ACA TCT GGA GCC TTG TAT TGA G	

2 结果

- 2.1 血清学检测结果 病人样本血清学结果正定型为 A 型,样本红细胞与单克隆抗-A 反应弱阳性 (≤2+),但其红细胞与抗-A1 抗体反应阴性;样本 反定型为 O型,血清与 A1 试剂红细胞反应弱阳性 (≤2+)、与 A2 试剂细胞反应阴性,其血清盐水不规则抗体筛查阴性,证实样本血清存在抗-A1 意外抗体(见表2)。
- 2.2 分子生物学检测结果 ABO 基因外显子 6、7 序列扩增,琼脂糖凝胶电泳显示,第 3、4 孔在 750 bp 条带分别为外显子 7、6 扩增条带(见图 1)。将目的条带切下并进行胶回收 DNA 纯化后,经过琼脂糖凝

胶电泳检测结果(见图 2),第 3、4 孔条带分别为外显子 7、6 扩增条带。ABO 血型基因直接测序以公认的 A101(ABO * A1.01)等位基因序列做为参考序列比对:样本 ABO 基因 6 号外显子的 c. 297A > G(见图 3),氨基酸编码没有改变;7 号外显子的 c. 646 A > T(见图 4),氨基酸 p. Phe216Ile 改变;以及 c. 771T > C(见图 5),氨基酸编码没有改变(见表 3)。经过分析该样本基因型为 ABO * AW. 30.01。

表 2 病人样本血清学检测结果

	正定型			反定型			盐水不规则抗体筛查		
	抗-A	抗-B	抗-A1	Alc	Вс	A2c	0 I	0 [[011
室温	1 +	-	-	1 +	4 +	-	-	-	-
4 ℃	2 +	-	-	2 +	4 +	-	-	-	-

注:"+"代表阳性,"-"代表阴性

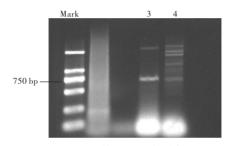


图1 ABO基因外显子6、7扩增序列

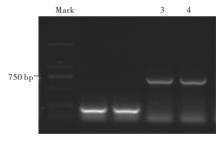


图2 ABO基因外显子6、7 DNA纯化后扩增序列

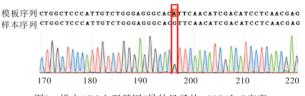


图3 样本ABO血型基因6号外显子的c.297A>G突变

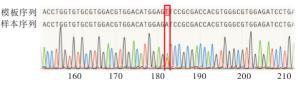


图4 样本ABO血型基因7号外显子的c.646 T>A突变

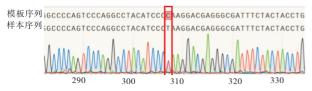


图5 样本ABO血型基因7号外显子的c.771 C>T突变

表 3 ABO 基因测序结果判定

外显子	碱基替换	氨基酸替换
EXON-6	c. 297 A > G	同义突变
EXON-7	c. 646 $T > A$	p. Phe216Ile
EXON-7	c. 771 $C > T$	同义突变
外显子	碱基替换	氨基酸替换
EXON-6	c. 297 A $>$ G	同义突变
EXON-7	c. 646 $T > A$	p. Phe216Ile
EXON-7	c. 771 $C > T$	同义突变
` <u> </u>		

3 讨论

病人 ABO 血型的正确鉴定是输血相容性检测 的最重要环节,关系着病人的用血安全,病人在输血 前应常规血清学检测 ABO 正定型和反定型,只有正 反定型结果一致,才能确定红细胞 ABO 血型[4]。但 病人ABO血型鉴定会受到年龄、疾病、遗传等诸多 因素的影响,如传统 ABO 亚型检测的血清学方法是 通过血清学检测来确定血型抗原或红细胞表型,血 清学检测的基础是检测可见的血凝或溶血。然而, 由于某些药物暴露于病人红细胞或存在其他可能改 变红细胞膜的疾病,或是虽然常规单克隆抗体试剂 可以识别和凝集弱的亚型,但仍存在定型错误的风 险。如错定病人血型,或 Ax 型供者错定为 O 型向 0型病人输血时可能会产生不良后果。另外,如要 准确地确定病人 ABO 血型,或在临床检测中出现正 反定型不相符,仍需借助分子生物学方法确定病人

本文病人样本正反定型不符为疑难血型,血清学结果正定型为 A 型,样本红细胞与单克隆 IgM 抗-A 反应弱阳性,但其红细胞与抗-A1 抗体反应阴性;样本反定型为 O 型,血清与 A1 试剂红细胞反应弱阳性、与 A2 试剂细胞反应阴性,其血清盐水不规则抗体筛查阴性,证实样本血清存在抗-A1 意外抗体。因此,血清学方法确定为 A 亚型,疑似为 Ax 表型。Ax 表型的主要血清学特征为:红细胞与 B 型人血浆中抗-A 不凝集,大多数红细胞与 O 型人血浆中抗-

AB凝集,与 IgM 抗-A 试剂反应弱;红细胞只能呈现弱凝集反应,没有混合凝集;血清中含有抗-A1,可能含有抗-A,血清可与 A1 细胞反应,也许个别能与 A2细胞反应^[7-8]。本例样本 ABO 血型正反定型不符,疑似亚型,作为病人若按照正定型结果定型为 A型,输入正常 A型红细胞,则病人血浆中存在的抗-A1 抗体可能会与输入的 A型供者红细胞反应,进而有发生严重溶血反应的风险,威胁病人输血安全。

为进一步准确确定病人 ABO 血型亚型, 本研究 应用分子生物学检测进行判定。每一种A亚型的 抗原基因都是由多个基因突变后产生的多态性基 因,不同 A 等位基因编码翻译出不同的糖基转移 酶,其作用底物都是 N-乙酰半乳糖,但所合成的糖 链其抗原性具有一定差异。目前已发现的 A 等位 基因超过 200 个. 最常见的 A 基因是 ABO * A1.01 (A1 表型)、ABO * A2.01(A2 表型),主要的基因突 变发生在外显子 6、7 上[7]。本例 ABO 血型基因直 接测序以公认的 A101 (ABO * A1.01) 等位基因序 列做为参考序列比对,样本测序结果显示病人在 ABO 基因第 6 外显子出现 c. 297A > G (ACA > ACG)、第7外显子出现 c. 771C > T(CCC > CCT)及 c. 646T > A(AGT > AGA) 出现共3 个特异性等位基 因突变。ABO 基因 6 号外显子的 c. 297A > G 及 7 号外显子的 c. 771C > T 突变, 氨基酸编码并无改 变,属于无义突变[3]。而通过比对血型抗原基因突 变资料库注册的 ABO 表型,分析病人为 Ax 表型,该 表型基因 ABO * AW. 30.01 第7 外显子的 c. 646T > A 突变(导致氨基酸 p. Phe216Ile 改变)是其表型形 成的分子基础[3,9]。Ax 在 A 型中的频率分布为法 国人约1/77 000,中国人约 1/50 000[4]。中国上海 CAI 等[10] 共筛选了 322 个 ABO 亚型个体, A 型相关 表型包括了 A3、Aint、Ax、Ael 等,得出中国上海检出 率约为0.015%。2018 年王鹤^[8]分析 1 例 Ax04 亚 型的血清学特性及分子机制,发现该例正反定型不 一致的 Ax 亚型,其 α-1,3-N-乙酰半乳糖胺转移酶 基因 c. 646T > A 突变导致 A 抗原表达减弱,与本例 样本血清学及分子生物学检测结果相仿。对于临床 需要输血的病人而言,准确鉴定 ABO 血型具有重要 意义,Ax 亚型往往由于抗原表达极弱血型鉴定困难 而导致误判血型。且 Ax 亚型病人血浆中常含有抗-A1 抗体,可能会导致病人发生溶血性输血反应,需 在确认该抗-A1 抗体在 37 ℃无反应情况下才能输 入正常 A 型红细胞或输入 O 型红细胞,以防止发生 输血不良后果[11]。

根据已有报道^[8-9]及本例样本的鉴定说明,在临床输血中包括疑难血型鉴定、红细胞直抗阳性和多次输血病人的血型鉴定等诸多方面,仅依靠血清学结果难于确定病人准确血型。因此,有学者建议应用分子生物学的血型基因分型^[6],并认为有助于预防输血的同种免疫反应,提高输血的安全性,推动精准医学的发展。

[参考文献]

- [1] FUWG MK, GROSSMAN BJ, HILLYER CD, et al. Technical Manual [M]. 19th ed. Bethesda; American Association of Blood Banks, 2017;265.
- [2] 李君,曹立瀛,侯金友,等. 一例 ABO 亚型 CisAB 个体的分子 遗传学分析[J]. 中华医学遗传杂志,2020,37(1):71.
- [3] ISBT. Names for ABO (ISBT 001) blood group alleles v1. 1 170123. http://www. isbtweb. org/working-parties/red-cellimmunogenetics-and-blood-group-terminology/
- [4] 吕先萍,宫济武,李志强. 红细胞 ABO 疑难血型检测分析与记录流程[J]. 中国输血杂志,2014,27(2):127.

- [5] OSMAN NH, SATHAR J, LEONG CF, et al. Importance of extended blood group genotyping in multiplytransfused patients [J]. Transfus Apher Sci, 2017, 56(3);410.
- [6] 赵桐茂. 红细胞血型基因分型在精准输血医学中的应用[J]. 精准医学杂志,2018,33(1):12.
- [7] DANIELS G. Human Blood Groups [M]. 3th edition. Oxford: Blackwell Publishing Ltd, 2013:11.
- [8] 王鹤. Ax04 亚型的血清学特征及基因序列分析[J]. 中国输血杂志,2018,31(7):788.
- [9] OLSSON ML, IRSHAID NM, HOSSEINI-MAAF B, et al. Genomic analysis of clinical samples with serologic ABO blood grouping discrepancies; identification of 15 novel Aand B subgroup alleles [J]. Blood, 2001, 98(5); 1585.
- [10] CAI X, JIN S, LIU X, et al. Molecular genetic analysis of ABO blood group variations reveals 29 novel ABO subgroup alleles [J]. Transfusion, 2013, 53 (11 Suppl 2):2910.
- [11] 张秋会,夏爱军,穆士杰,等. Ax 亚型与 A 抗原减弱的血型鉴定 2 例[J]. 临床血液学杂志,2011,24(4):251.

(本文编辑 刘畅)

本刊参考文献著录格式

作者(1~3名均列出,4位或以上者在第3位作者后加"等"或"et al",英文的姓氏均应大写,且出现在正文中也应改为大写). 文题[J]. 刊名(英文期刊请注意按规范缩写刊名),出版年,卷(期):起页.

- [1] 李辉,康品芳,徐庆梅,等. 厄贝沙坦对糖尿病大鼠心肌损伤中 MAPKs 信号通路及相关因子的影响[J]. 蚌埠医学院学报,2020,45(11):1453.
- [2] SACERDOTE P, BIANCHI M, GASPANI L, et al. The effects of tramadol and morphine on immune responses and pain after surgery in cancer patients [J]. Anesth Analg, 2019, 109 (6): 1411.

《蚌埠医学院学报》编辑部